**ПРОГРАММА**

**Круглый стол по биоинформатике**

**28 февраля 2019 года 14:00**

|  |  |
| --- | --- |
| 14.00 – 14.15 | **Открытие**Никифоров Михаил Ефимович, академик-секретарь биологического отделения Президиума НАН БеларусиШейко Руслан Иванович, член-корреспондент НАН Беларуси,директор Института генетики и цитологии НАН Беларуси  |
| 14.30 – 14.45 | Баранов Олег Юрьевич, д.б.н.,заведующий сектором «Геномные исследования и биоинформатика» | *Основные направления геномных исследований лесных древесных видов в Беларуси* | Институт леса НАН Беларуси |
| 14.45 – 15.00 | Валентович Леонид Николаевич, к.б.н., заведующий лабораторией «Центр аналитических и генно-инженерных исследований» | *Направления работы института микробиологии НАН РБ в области геномики прокариот* | Институт микробиологии НАН Беларуси |
| 15.00 – 15.15 | Николайчик Евгений Артурович, к.б.н., доцент кафедры молекулярной биологии | *Универсальный метод идентификации операторных последовательностей на основе информации о 3D-структурах комплексов транскрипционных факторов с ДНК: алгоритм и результаты его применения* | Белорусский государственный университет |
| 15.15 – 15.30 | Левданский Олег Дмитриевич, к.б.н., руководитель группы биоинформатики | *Опыт проведения высокопроизводительного секвенирования и обработки его результатов с использованием TruSight Cardio Sequencing Kit* | Институт генетики и цитологии НАН Беларуси |
| 14.15 – 14.30 | Вересов Валерий Гавриилович, д.б.н., руководитель группы «Структурная биофизика клетки» | *Структурная биоинформатика и компьютерное конструирование противоопухолевых лекарственных препаратов* | Институт биофизики и клеточной инженерии НАН Беларуси |
| 15.30 – 15.45 | Сергеев Роман Сергеевич, н.с, руководитель группы биоинформатики  | *Полногеномный анализ ассоциаций: модели и методы* | Объединенный институт проблем информатики НАН Беларуси |
| 15.45 – 16.30 | **Дискуссия****Закрытие мероприятия** |