

ОТЗЫВ НАУЧНОГО РУКОВОДИТЕЛЯ

на диссертационную работу

Седяра Никиты Геннадьевича «Оценка риска невынашивания беременности на основе молекулярно-генетического анализа», представленную на соискание ученой степени кандидата биологических наук по специальности 03.01.07 – молекулярная генетика.

Тема диссертации Седяра Н. Г. «Молекулярно-генетические механизмы нарушения нормального течения беременности» соответствует её содержанию и отрасли науки по специальности 03.01.07 – молекулярная генетика.

Исследование генетических причин нарушения процесса беременности является важным и актуальным, поскольку важное место среди факторов риска невынашивания беременности занимает носительство тех или иных аллелей генов и их комбинаций, которые могут видоизменять течение биохимических процессов в организме матери и способствовать прерыванию беременности. Генетические нарушения системы гемостаза часто проявляются только при дополнительных условиях, одним из которых является беременность. Изменения генов, ответственных за поддержание системы гемостаза, могут, в частности, быть причиной невынашивания беременности.

Автором проведена большая экспериментальная работа по оценке генетической предрасположенности к невынашиванию беременности. Проведено генотипирование пациенток с привычными выкидышами в сравнении с женщинами, успешно родившими не менее двух детей. В ходе анализа полученных данных выявлены полиморфные варианты генов, которые вносят существенный вклад в предрасположенность к невынашиванию беременности, выявлены генотипы с высоким риском репродуктивных потерь.

Выявлены наиболее информативные комбинации генов риска невынашивания беременности. Дана оценка взаимосвязи носительства комбинаций выявленных факторов риска с формированием генетической предрасположенности к нарушениям процесса беременности. С помощью многофакторного анализа проведено сравнение результатов генетического тестирования с клинико-биохимическими данными.

Полученные результаты вносят существенный вклад в понимание генетических механизмов нарушения нормального течения беременности, что имеет важное научное значение.

Выявление генетического риска патологии позволит прогнозировать возможные потери беременности и проводить своевременную коррекцию выявленных нарушений.

На основании молекулярно-генетического анализа и гемостазиологического исследования пациентки возможно определять дозу и продолжительность антикоагулянтной терапии при осложненной беременности, а также проводить доказательную профилактику невынашивания беременности. Своевременная терапевтическая коррекция эффектов неблагоприятных вариантов генов позволяет сохранить беременность вплоть до нормальных физиологических родов, что имеет огромное экономическое и социально-демографическое значение.

Таким образом, диссертационная работа Седяра Н. Г. является актуальной, имеет большое научное и практическое значение, а её автор вполне достоин присуждения ученой степени кандидата биологических наук за:

1. разработку панели генов-кандидатов систем гемостаза, ангиогенеза, регуляции артериального давления и метаболизма фолатов, предрасполагающих к нарушению физиологического процесса беременности;
2. выявление наиболее информативных комбинаций генов риска потери беременности и оценки взаимосвязи носительства комбинаций выявленных факторов риска с формированием генетической предрасположенности к нарушениям беременности;
3. установление факта, что формирование генетического риска нарушения процесса беременности обусловлено не столько носительством отдельных неблагоприятных факторов, сколько их количеством и взаимодействием;
4. разработку технологии количественной оценки генетической предрасположенности к невынашиванию беременности (Инструкция по применению «Метод определения вероятности невынашивания беременности» утверждена Министерством здравоохранения РБ);
5. внедрение полученных результатов в клиническую практику в ГУ «РНПЦ «Мать и дитя», в Республиканский центр геномных биотехнологий Института генетики и цитологии НАН Беларуси, а также в учебный процесс в ГомГМУ.

Научный руководитель
к.м.н.


Э. В. Дашкевич

