

## ОТЗЫВ

### на автореферат диссертации Седляр Никиты Геннадьевича «Оценка риска невынашивания беременности на основе молекулярно-генетического анализа», представленной на соискание ученой степени кандидата биологических наук по специальности 03.01.07 – молекулярная генетика

Сегодня в Беларуси, проблема невынашивания беременности становится все более актуальной – ежегодно оканчивается неудачно одна из пяти желанных беременностей. Более 80% всех прерываний беременности происходит в первом триместре. Причины потерь беременности различны, в частности известны причины иммунологические, инфекционные, эндокринные, генетические и др.

В последнее время важными причинами невынашивания беременности стали считать именно наследственные факторы, и, в частности, наследственную тромбофилию. Во многих исследованиях показано наличие связи между генетической предрасположенностью к тромбофилии и увеличением риска развития осложнений во время беременности (привычное невынашивание, гестоз, другие). Знание о генетических рисках позволяет проводить своевременную коррекцию, что способствует благоприятному течению беременности и повышает демографию.

В работе впервые в республике Беларусь была дана оценка роли взаимодействия генов и установлена прогностическая значимость не только отдельных аллелей генов, но и их сочетаний для оценки предрасположенности к невынашиванию беременности. На основании этих данных разработана уникальная технология количественной оценки риска невынашивания беременности на основе молекулярно-генетического анализа.

С целью автоматизации процесса поиска прогностически значимых комплексов автором с коллегами была разработана специальная компьютерная программа. С ее помощью проанализировано 3 764 376 комплексов генов, и в результате статистического анализа выявлено 11 наиболее информативных комплексов генов риска потери беременности. Безусловно, это большая работа, заслуживающая отдельного внимания.

В ходе прочтения автореферата возникают вопросы к соискателю:

- Цель исследования сформулирована как количественная оценка, хотя по сути это математическая модель. Так ли это?
- Задачи 2 и 3 являются по сути одной задачей и логичнее было бы их объединить.
- Термин аллельные варианты, употребляемый автором, является не корректным. Следует использовать термин вариант.
- Почему выбран именно такой список генов и полиморфизмов?
- Автор некорректно использует фразу: «.....невысоком (статистически редко выявляемом) вкладе отдельных генных вариантов в риск потери беременности». Либо статистически достоверно, либо нет. Не бывает высокий или низкий вклад.
- Почему авторы использовали только бальный метод? Почему не применяли регрессионную модель?

Все полученные автором данные имеют важное научно-практическое значение – они вносят вклад в развитие молекулярно-генетических технологий количественной оценки риска невынашивания беременности.

Результаты исследования подтверждены различными методами, хорошо проиллюстрированы и не вызывают сомнений. Выводы отражают основные результаты проведенных исследований и соответствуют поставленным задачам. Однако, следовало бы количество выводов соотносить с задачами.

Диссертационная работа Седляр Никиты Геннадьевича выполнена на высоком научном и методическом уровнях с использованием современных молекулярно-

генетических методов, высказанные замечания не являются принципиальными, а носят скорее рекомендательный характер для дальнейших исследований автора.

По теме диссертации опубликовано 14 печатных работ, в том числе 3 статьи в журналах, входящих в перечень ВАК Республики Беларусь, 3 статьи в других изданиях, 7 тезисов докладов в сборниках материалов конференций, 1 инструкция по применению.

Таким образом, содержание автореферата позволяет сделать вывод, что диссертационное исследование Седляр Никиты Геннадьевича «Оценка риска невынашивания беременности на основе молекулярно-генетического анализа», представленное на соискание ученой степени кандидата биологических наук по специальности 03.01.07 – молекулярная генетика, по актуальности, достоверности и новизне полученных результатов, значимости выводов для науки и практики имеет важное фундаментальное значение.

Диссертационная работа полностью соответствует требованиям, предъявляемым к кандидатским диссертациям, а её автор – Седляр Никита Геннадьевич, заслуживает присуждения ученой степени кандидата биологических наук по специальности 03.01.07 – молекулярная генетика.

Заведующий НИО экспериментальной медицинской вирусологии, молекулярной генетики и биобанкинга  
Детского научно-клинического центра  
инфекционных болезней федерального  
медико-биологического агентства,  
кандидат биологических наук



Глотов Олег Сергеевич  
Подпись

24.01.2023

Федеральное государственное бюджетное учреждение «Детский научно-клинический центр инфекционных болезней федерального медико-биологического агентства», 197022 г. Санкт-Петербург, проф. Попова, 9.  
телефон: 8 (812) 234-60-04, e-mail: [nii\\_detinf@fmbamail.ru](mailto:nii_detinf@fmbamail.ru), сайт: <http://niidi.ru>

*Подпись Глотова Олега Сергеевича заверяю*